

## SEQUENCE LISTING

(110) Beijing Institute for Cancer Research

(120) A method for in vitro detection of malignant potential of dysplasia and artificial nucleotide sequences used therein

(130) CNB1U03000217

(160) 4

(210) 1

(211) 359

(212) DNA

(213) Artificial sequence

(400) 1

agaggagggg UtggUtggU aUUagagggt ggggCggaUC gCgtgCgUtC ggCggUtgCg 60  
 gagaggggga gagUaggUag CgggCggCgg ggagUagUat ggagUCggCg gCggggagUa 120  
 gUatggagUU ttCggUtgaU tggUtggUUa CggUCgCggU UcggggtCgg gtagaggagg 180  
 tgCgggCgUt gUtggaggCg ggggCgUtgU UUaaCgUaUC gaatagttaC ggtCggaggU 240  
 CgatUUaggt gggtagaggg tUtUagCgg gagUagggga tggCgggCga UtUtggagga 300  
 CgaagtttgU aggggaattg gaatUaggta gCgUttCgat tUtUCggaaa aaggggagg 359

(210) 2

(211) 359

(212) DNA

(213) Artificial sequence

(400) 2

agaggagggg UtggUtggU aUUagagggt ggggUggaUU gUgtgUgUtU ggUggUtgUg 60  
 gagaggggga gagUaggUag UgggUggUgg ggagUagUat ggagUUggUg gUggggagUa 120  
 gUatggagUU ttUggUtgaU tggUtggUUa UggUUgUggU UUgggggtUgg gtagaggagg 180  
 tgUgggUgUt gUtggaggUg ggggUgUtgU UUaaUgUaUU gaatagttaU ggtUggaggU 240

UgatUUaggt gggtagaggg tUtgUagUgg gagUagggga tggUgggUga UtUtggagga 300  
UgaagtttgU aggggaattg gaatUaggta gUgUttUgat tUtUUggaaa aaggggagg 359

(210) 3

(211) 359

(212) DNA

(213) Artificial sequence

(400) 3

UUtUUUUttt ttUCggagaa tCgaagCgUt aUUtgattUU aattUUUUtg  
UaaaUttCgt 60

UutUUagagt CgUUCgUUat UUUUtgtUU CgUtgUagaU UUtUtaUUUa  
UUtggtatCgg 120

UutUCgaUCg taaUtattCg gtgCgttggg UagCgUUUUC gUUtUUagUa  
gCgUUCgUaU 180

UtUUtUtaUU CgaUUUCggg UCgCggUCgt ggUUagUUag tUagUCgaag  
gUtUUatgUt 240

gUtUUUCgUC gUCggUtUUa tgUtgUtUUU CgUCgUUCgU tgUUtgUtUt  
UUUUUtUtUC 300

gUagUCgUCg agCgUaCgCg gtUCgUUUUa UUUtUtgggtg aUUagUUagU  
UUUtUUtUt 359

(210) 4

(211) 359

(212) DNA

(213) Artificial sequence

(400) 4

UUtUUUUttt ttUUggagaa tUgaagUgUt aUUtgattUU aattUUUUtg UaaaUttUgt 60

UutUUagagt UgUUUgUUat UUUUtgtUUU UgUtgUagaU UUtUtaUUUa UUtggtatUgg  
120

UutUUgaUUg taaUtattUg gtgUgttggg UagUgUUUUU gUUtUUagUa gUgUUUgUaU  
180

UtUUtUtaUU UgaUUUCggg UUgUggUUgt ggUUagUUag tUagUUgaag gUtUUatgUt  
240

gUtUUUUgUU gUUggUtUUa tgUtgtUUUU UgUUgUUUgU tgUUtgUtUt  
UUUUUtUU 300

gUagUUgUUg agUgUaUgUg gtUUgUUUUa UUUtUtgggtg aUUagUUagU UUUtUUtUt  
359